

EVALUACIÓN DE LA DISTRIBUCIÓN DE GENOTIPOS, SUBTIPOS Y CARGA VIRAL DE HEPATITIS C EN PACIENTES DE HOSPITALES PÚBLICOS DE LA PROVINCIA DE BUENOS AIRES.

DV Sanchez, CP Gatti, MM Valle, PC Mayon, R Toro, MS Corazza.
Centro Provincial de Referencia para VIH/SIDA y Hepatitis Virales.
Instituto Biológico "Dr. Tomás Perón".
La Plata. Buenos Aires. Argentina.

Introducción: El Virus de la Hepatitis C (HCV), es el responsable de la mayoría de los casos de enfermedad hepática crónica. Una proporción de pacientes evolucionarán hacia una cirrosis hepática y eventualmente podrían desarrollar un hepatocarcinoma. En la actualidad es indispensable conocer el Genotipo, Subtipo y Carga viral inicial del HCV para el diagnóstico de los pacientes, ya que es de importancia clínica en el tratamiento.

Objetivos:

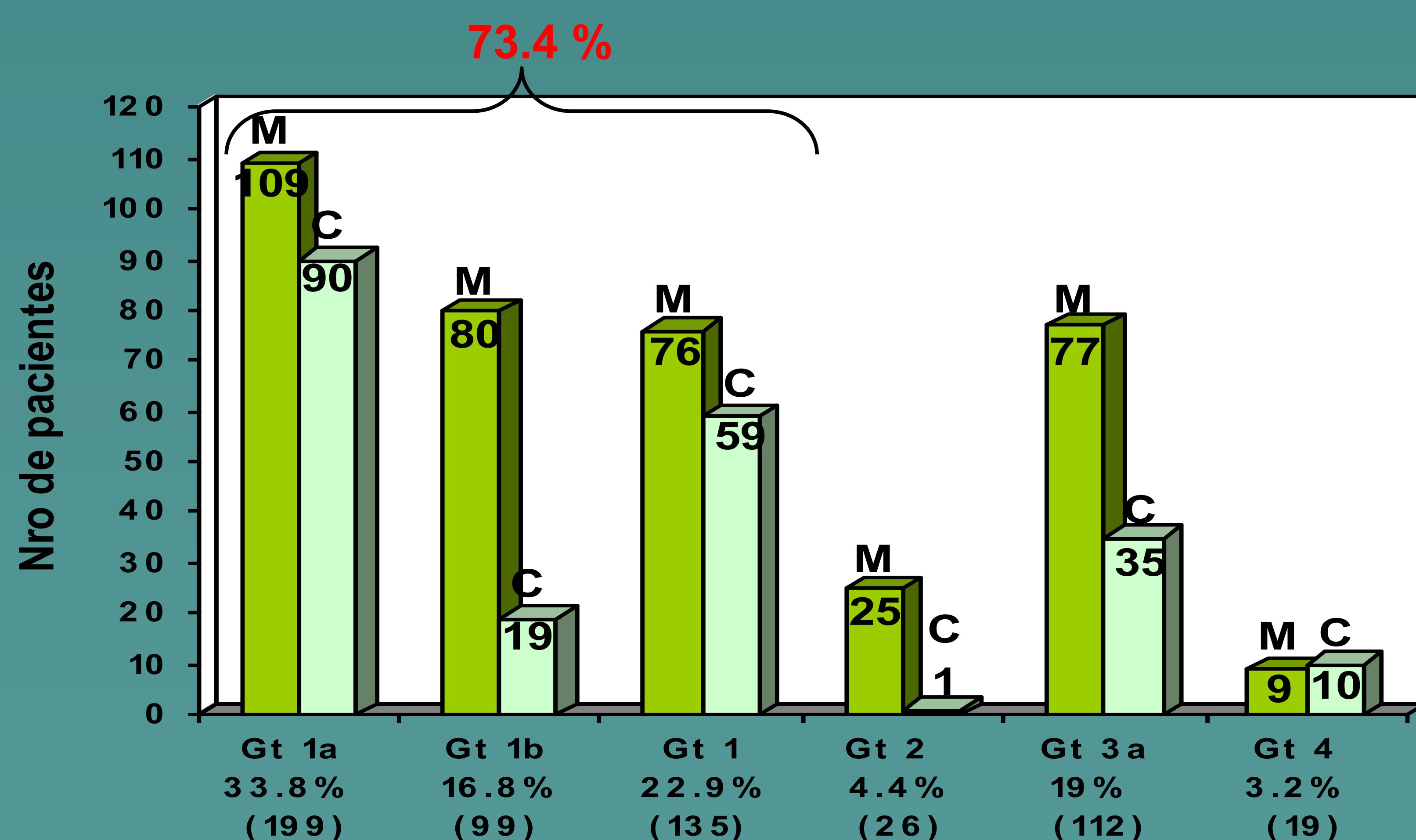
- ▶ Evaluar la distribución de Genotipo y Subtipo de HCV.
- ▶ Estimar la Carga Viral de inicio de tratamiento en una población de pacientes Mono infectados (M) y Coinfectados con HIV (C) provenientes de Hospitales Públicos de la Provincia de Buenos Aires, en un período de tiempo.

Materiales y métodos:

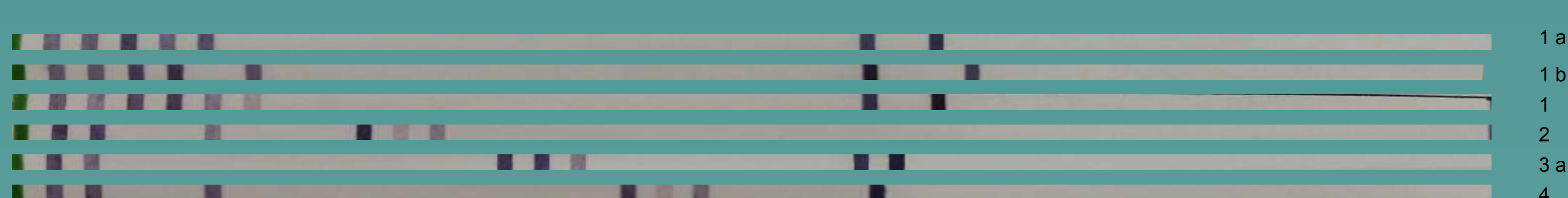
- ▶ Es un estudio retrospectivo de corte transversal, desde **junio de 2014 hasta enero de 2016**. Las poblaciones estudiadas fueron Mono infectados y Coinfectados.
- ▶ Se procesaron **590** muestras de suero o plasma para la genotipificación.
 - Purificación: columnas de afinidad QIAGEN.
 - Amplificación: Versant HCV amplification 2.0 (SIEMENS)
 - Genotipificación: VERSANT HCV Genotype 2.0 Assay (LiPA-SIEMENS)
- ▶ Se realizó la Carga Viral de inicio de tratamiento a **516** muestras. Se calculó el promedio teniendo en cuenta los Genotipos, Subtipos y si eran Mono infectados o Coinfectados.
 - Carga Viral: COBAS Taqman 48 HCV Test v2.0 (ROCHE).

Resultados:

Distribución de Genotipos y Subtipos de HCV



Tiras VERSANT HCV Genotype 2.0 Assay (LiPA-SIEMENS)



Genotipo	Pacientes	Promedio de CV	Log del Promedio
1a	M (94)	3.577.489	6.55
	C (86)	5.239.459	6.72
1b	M (61)	3.457.864	6.54
	C (18)	8.079.996	6.91
1	M (55)	6.860.721	6.84
	C (62)	3.906.713	6.59
2	M (17)	4.000.014	6.60
	C (2)	2.688.156	6.43
3a	M (67)	2.420.344	6.38
	C (34)	3.803.989	6.58
4	M (10)	1.578.806	6.20
	C (10)	618.347	5.79

Promedio CV inicial Mono infectados: 3.159.872 (**6.48**)
Promedio CV inicial Coinfectados: 4.548.445 (**6.54**)

Conclusiones:

- ▶ El Genotipo 1 predomina ampliamente sobre el resto, conservándose los porcentajes observados en un trabajo anterior del Centro.
- ▶ El subtipo predominante es el 1a.
- ▶ La técnica de genotipificación empleada tiene como ventaja diferenciar el subtipo, beneficiando especialmente a los pacientes con Genotipo 1, por lo tanto mejora el diagnóstico para la elección del tratamiento.
- ▶ El promedio de la Carga Viral inicial, es realmente elevado, para los pacientes que se encuentran en condiciones de iniciar el tratamiento.
- ▶ Para las poblaciones Mono infectados y Coinfectados el Log promedio es del orden de 6.
- ▶ Si bien las decisiones de tratamiento para el HCV deben ser individualizadas según el paciente, teniendo en cuenta varios factores como: el compromiso hepático, posibles efectos secundarios, comorbilidades asociadas, Carga Viral inicial, Genotipo y Subtipo viral, son algunos de los factores predictores más importantes de la respuesta al tratamiento antiviral.